

Guía de nature.com

Esta guía explica algunas de las galardonadas herramientas y servicios que encontrará en nature.com. Tanto si busca información o artículos relacionados como si configura opciones de alertas personales a través del correo electrónico o canales RSS, saber cómo navegar por nature.com le hará la vida más fácil.

Tan fácil como 1, 2 y 3

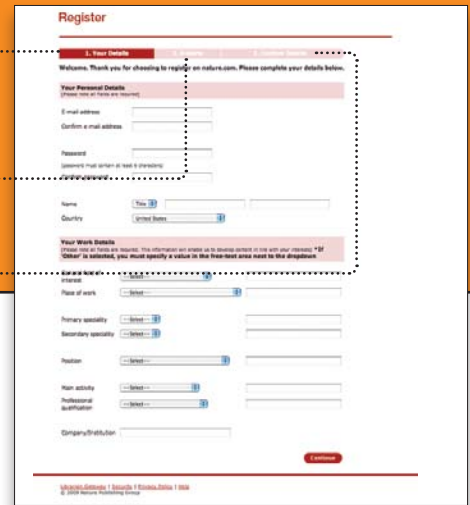
Para obtener resultados óptimos en nature.com, empiece por registrarse con su propia cuenta. Con estos tres sencillos pasos podrá conectarse de una sola vez a nature.com: un procedimiento indispensable si es titular de una suscripción personal.



Rellene sus datos personales

Seleccione las alertas electrónicas de su preferencia por área temática o publicación

Verifique sus datos y seleccione Confirm (Confirmar)



Página principal

El diseño de las páginas web de todas las publicaciones de nature.com es idéntico, por lo que se sentirá rápidamente como en casa cuando pase de una a otra. La página principal de cada publicación es una ventana a los contenidos más recientes publicados en línea, así como a los contenidos archivados y servicios en línea. Utilice los vínculos de las barras de navegación izquierda y derecha para acceder fácilmente a los contenidos de su interés.

Lea primero las investigaciones más recientes: los artículos se publican por Internet antes que en las versiones impresas.

Seleccione *Current issue* (Número actual) para Table of Contents (Índice).

Conéctese a las noticias más recientes en *Nature News*.

Examine el *Archive* (Archivo) de cada publicación por año y edición.

Supplements (Suplementos) y *Web focuses* (Enfoques web) destacan temas principales, y se publican además de las ediciones normales.

Muchas publicaciones presentan contenidos en soportes alternativos, como video y podcasts.



Sign up for e-alerts (Regístrese a alertas electrónicas) de esta publicación. Si tiene una cuenta registrada, se actualizará automáticamente.

Si utiliza esta publicación en el trabajo o para estudiar, consulte al bibliotecario o al responsable de información para recomendarles que se suscriban en su nombre.

Muchas publicaciones presentan sus índices más recientes en forma de canal de noticias RSS.

Sepa qué artículos han ganado los titulares de la prensa.

Saque el máximo partido a los artículos

Encontrar el artículo que necesita no es más que el punto de partida. Porque podrá hacer mucho más que leerlo. Comparta sus investigaciones con amigos y colegas, envíe sus comentarios, exporte diagramas a diapositivas, guarde sus referencias, acceda a información complementaria (muchas veces no disponible en las versiones impresas) e incluso encargue los equipos que necesite.

FIGURE 1. RNAi screen and bioinformatics.

From the resulting screen, we identified 283 human genes associated with West Nile virus infection. The bioinformatics classification of hits into biological process (b) and molecular function (c) categories. *Categories found enriched (P < 0.05) relative to all the genes examined in the RNAi screen. Only categories with ten or more members are displayed.

Download file
If the slide opens in your browser, select 'File' > 'Save As' to save it.
Download PowerPoint slide (624K)

Figures & Tables view

References

1. Brittan, M. A. The molecular biology of West Nile Virus: A new invader of the western hemisphere. *Annu. Rev. Microbiol.* **56**, 371-402 (2002) | Article | Full text | Open Access |
2. Chiu, J. J. & No, M. L. Infectious entry of West Nile virus occurs through a clathrin-mediated endocytic pathway. *J. Virol.* **78**, 10543-10555 (2004) | Article | Full text | Open Access |
3. Krishnan, M. N. et al. Rab 5 is required for the cellular entry of dengue and West Nile viruses. *J. Virol.* **81**, 6851-6855 (2007) | Article | Full text | Open Access |
4. Brass, A. L. et al. Identification of host proteins required for HIV infection through a functional genomic screen. *Science* **319**, 921-926 (2007) | Article | Full text | Open Access |
5. No, T. S. et al. Identification of host genes involved in hepatitis C virus replication by small interfering RNA technology. *Hepatology* **45**, 1413-1421 (2007) | Article | Full text | Open Access |
6. Beckmann, L. et al. Genome-wide analysis of human kinases in clathrin- and caveolin-mediated endocytosis. *Nature* **436**, 78-86 (2005) | Article | Full text | Open Access |
7. Davis, W. G., Blackwell, J. L., Shi, P. Y. & Branton, M. A. Interaction between the cellular protein eEF1A and the 3'-terminal stem-loop of West Nile virus genomic RNA facilitates viral minus-strand RNA synthesis. *J. Virol.* **81**, 10172-10187 (2007) | Article | Full text | Open Access |
8. Emano, M. M. & Branton, M. A. Interaction of TIA-1/LTAR with West Nile and dengue virus proteins in infected cells interferes with stress granule formation and processing body assembly. *Proc. Natl Acad. Sci. USA* **104**, 9043-9048 (2007) | Article | Full text | Open Access |
9. Hirsch, A. J. et al. The Src family kinase c-Yes is required for maturation of West Nile virus particles. *J. Virol.* **79**, 11943-11951 (2005) | Article | Full text | Open Access |
10. Mackenzie, J. M., Khramykh, A. A. & Parfitt, R. G. Cholesterol manipulation by West Nile virus perturbs the cellular immune response. *Cell Host Microbe* **3**, 229-239 (2007) | Article | Full text | Open Access |
11. Fredericksen, B. L., Smith, M., Katz, M. G., Shi, P. Y. & Gale, M. The host response to West Nile Virus infection limits viral spread through the activation of the interferon regulatory factor 3 pathway. *J. Virol.* **78**, 7727-7747 (2004) | Article | Full text | Open Access |
12. Lim, J. et al. A protein-protein interaction network for human inherited ataxias and disorders of Purkinje cell degeneration. *Cell* **125**, 801-814 (2006) | Article | Full text | Open Access |
13. Wadhvani, T. et al. A nonsense mutation in the gene encoding 2'-5'-oligoadenylate synthetase/L1 isoform is associated with West Nile virus susceptibility in laboratory mice. *Proc. Natl Acad. Sci. USA* **99**, 11311-11316 (2002) | Article | Full text | Open Access |
14. Samuel, M. A. et al. PKR and RPKase L contribute to protection against lethal West Nile virus infection by controlling early viral spread in the periphery and replication in neurons. *J. Virol.* **80**, 7009-7019 (2006) | Article | Full text | Open Access |
15. Schenck, S. V., Parashar, S. H., Bhanu, B. M., Silverman, R. H. & Branton, M. A. RPKase L plays a role in the antiviral response to West Nile virus. *J. Virol.* **80**, 2987-2999 (2006) | Article | Full text | Open Access |
16. Tiede, T., White, M. A., Gantz, D., Crouch, E. C. & Harsanyi, K. L. Human Hsp70, a P. & Price, N. T. The protein-linked heterocyclic nucleoside transporter (NCT) family: Structure, function and regulation. *Biochem. J.* **343**, 281-299 (1999) | Article | Full text | Open Access |
17. Chiu, M. W., Shi, H. M., Yang, T. H. & Yang, Y. L. The type 2 dengue virus envelope protein interacts with small ubiquitin-like modifier-1 (SUMO-1) conjugating enzyme 9 (Ubc9). *J. Biol. Chem.* **280**, 429-444 (2005) | Article | Full text | Open Access |
18. Hanks, S. K., Rycheva, L., Shi, N. Y. & Branton, J. Focal adhesion kinase signaling activities and their implications in the control of cell survival and motility. *Front. Biosci.* **8**, d982-996 (2003) | Article | Full text | Open Access |
19. Ni, H. et al. The PANTHER database of protein families, subfamilies, functions and pathways. *Nucleic Acids Res.* **33**, D264-D268 (2005) | Article | Full text | Open Access |
20. Su, A. I. et al. A gene atlas of the mouse and human protein-coding transcriptomes. *Proc. Natl Acad. Sci. USA* **101**, 6062-6067 (2004) | Article | Full text | Open Access |

Tipo de artículo

DOI y fechas útiles

Título del artículo

Autores e instituciones contribuyentes, incluyendo direcciones de contacto para correspondencia.

Los artículos empiezan con un resumen.

Las cifras, métodos y referencias van incluidos en el artículo y pueden ampliarse hasta tamaño completo.

Las referencias están vinculadas en el texto y aparecen al final del artículo.

Algunos artículos ofrecen la opción de insertar comentarios y de incorporarse aún debate.

Want to become a **SNPGURU?**

My account
Submit manuscript
Register
Subscribe

Welcome back: Suzanne Johnson
Logout

nature International weekly journal of science

Search This journal Advanced search

Journal home > Archive > Letter > Full text

Journal home > Archive > Letter > Full text

Letter

Nature 455, 242-245 (11 September 2008) | doi:10.1038/nature07207 | Received 23 March 2008; Accepted 26 June 2008; Published online 6 August 2008

Advance online publication

Current issue

Nature News

Archive

Supplements

Web focuses

Multimedia

About the journal

For authors and referees

Online submission

Advertising

Reprints and permissions

Nature Awards

Nature Conferences

Help

Gateways and databases

Structural/Genomics Knowledgebase

Asia gateway

Cell Migration Gateway

Functional Glycomics Gateway

Nature Reports Avian Flu

Nature Reports Stem Cells

Nature Network

Neuroscience Gateway

Omic gateway

Pathway Interaction Database

RNAi Gateway

Signaling Gateway

NPG Journals by Subject Area

Chemistry

Chemistry

Drug discovery

Biotechnology

Materials

Methods & Protocols

Clinical Practice & Research

Cancer

Cardiovascular medicine

Dentistry

Endocrinology

Gastroenterology & Hepatology

Methods & Protocols

Pathology & Pathobiology

Urology

Earth & Environment

Earth sciences

Evolution & Ecology

Life sciences

Biotechnology

Cancer

Development

Drug discovery

Evolution & Ecology

Genetics

Immunology

Medical research

Methods & Protocols

Microbiology

Molecular cell biology

Neuroscience

Pharmacology

Systems biology

Physical sciences

Physics

Materials

by A-Z Index

subscribe to Nature
Subscribe

FULL TEXT
• Previous | Next •
• Table of contents
• Download PDF
• Send to a friend
• CrossRef lists 2 articles citing this article
• Scopus lists 2 articles citing this article
• Submit correspondence
• Export citation
• Export references
• Rights and permissions
• Order commercial reprints
• Bookmark in Connotea
• Abstract
• Methods Summary
• References
• Acknowledgements
• Figures and tables
• Supplementary info
• Online methods

SEE ALSO
• Editor's Summary

SEARCH PUBMED FOR
• Manoj N. Krishnan
• Aylin Ng
• Bindu Sukumaran
• Felicia D. Gilfoy
• Pradeep D. Uchil
• Hameeda Sultana
• more authors of this article

naturejobs
Trainer
Quintiles Technologies (India) Pvt. Ltd
Bangalore, Karnataka 560001 India
Head
Washington University School of Medicine
St. Louis, MO 63110, United States
• More science jobs
• Post a job for free

natureproducts
search buyers guide

Figure 1: RNAi screen and bioinformatics.

a, West Nile virus RNAi screen strategy (see text for description). b, c, Bioinformatics classification of hits into biological process (b) and molecular function (c) categories. *Categories found enriched (P < 0.05) relative to all the genes examined in the RNAi screen. Only categories with ten or more members are displayed.

High resolution image and legend (193K)
Download PowerPoint slide (624K)

Slides may be downloaded for educational use, according to the terms described in Nature Publishing Group's licensing policy.

The RNAi screen identified 283 HSFs and 22 HRFs (of which 273 and 21 respectively are novel; Supplementary Tables 1 and 2). The number of HRFs constituted 7% of the total host factors identified. The identification of (1) some of the known HSFs (vATPase, endosomal transport regulators³) and HRFs (IRF3; ref. 11) of WNV infection, and (2) multiple components of macromolecular assemblies—for example, vATPase, the endoplasmic-reticulum-associated degradation (ERAD) pathway, focal adhesion complex (FAC)—validated the reliability of our approach and the *in vitro* model. A cellular map summarizing several screen hits classified into cellular compartments and broad functional association categories is provided in Supplementary Fig. 2.

Of the 283 HSFs, 195 (69%) and 193 (68%) could be classified using biological process and molecular function categories, respectively (Fig. 1b, c, Supplementary Tables 3 and 4). There was a significant enrichment of genes regulating intracellular protein trafficking, cell adhesion and processes associated with the transport of ions and biomolecules. The enriched molecular function

Lea o imprima el artículo en formato PDF.

Envíe el artículo a un amigo o colega en formato PDF.

Envíe sus opiniones a la sección *letters to the Editor* (*Cartas al director*).

La opción *Export citation* (*Exportar citas*) permite exportar fragmentos de texto a formato de Word o de Bloc de notas.

Marque el artículo dentro de su cuenta de *Connotea* para compartir sus investigaciones con otros.

Desplácese por el artículo con estos vínculos.

Despliegue la *Supplementary info* (*Información complementaria*) en formato PDF.

Acceda a *PubMed* para buscar artículos adicionales de estos autores.

Acceda a *NatureJobs* (*Empleos de Nature*) para consultar vacantes en campos relacionados.

Vínculo a *NatureProducts* (*Productos de Nature*) para comparar y encargar productos y equipos utilizados en las investigaciones.

En *nature.com*, los anuncios están claramente identificados y se presentan en función del contenido del artículo.

doi:10.1038/nature07207

SUPPLEMENTARY INFORMATION

Legends for Supplementary Tables 1 and 2.

Supplementary Table 1. RNAi screen identifies 283 human genes required for West Nile virus (WNV) infection. All of the identified 283 genes that qualified the selection criteria are arranged in alphabetical order. Column E shows how many individual siRNAs scored out of the four comprising the pool against each gene, when tested separately. Columns G, L, Q, V and AI: shows the fold reduction in WNV infection when the indicated genes were silenced with either individual siRNAs (G, L, Q, V) or pooled siRNAs (AI), and columns H, M, R, W and AJ are the corresponding Z-scores (standard deviation (SD) from the mean infection of control samples). The relative cell numbers (RCN, number of cells in gene silenced wells/number of cells in control) for G, L, Q, V and AI are shown in I, N, S, X and AK; and the corresponding SD are shown in J, O, T, Y and AL. Column AM shows fold reduction of dengue virus (DENV) infection (column AO shows the corresponding SD) when genes were silenced with pooled siRNAs. The RCN corresponding to AN is shown in AP (AQ shows the corresponding SD). 'NT' indicates not tested in the individual siRNA screen against WNV. 'NTD' indicates not tested against dengue virus.

Supplementary Table 2. RNAi screen identifies 22 human genes whose silencing enhances West Nile virus (WNV) infection. All of the identified 22 genes that qualified the selection criteria are arranged in alphabetical order. Column E shows how many individual siRNAs scored out of the four comprising the pool against each gene, when

www.nature.com/nature

¿Busca respuestas?

Encontrar la información correcta en nature.com resulta sencillo e intuitivo. En la esquina superior derecha de las páginas de todas las publicaciones encontrará cuadros de búsqueda. La opción **Advanced search (Búsqueda avanzada)** permite obtener resultados más exactos. La función **Save Search (Guardar búsqueda)** de nature.com permite guardar y volver a ejecutar los criterios de búsqueda, y con lo que obtendrá automáticamente los nuevos resultados.

Realice búsquedas por palabras clave y límitelas a publicaciones específicas.

Limite todavía más las búsquedas por autor, por título del artículo, por fecha, etc.

Efectúe búsquedas por DOI (Identificador de objeto digital)

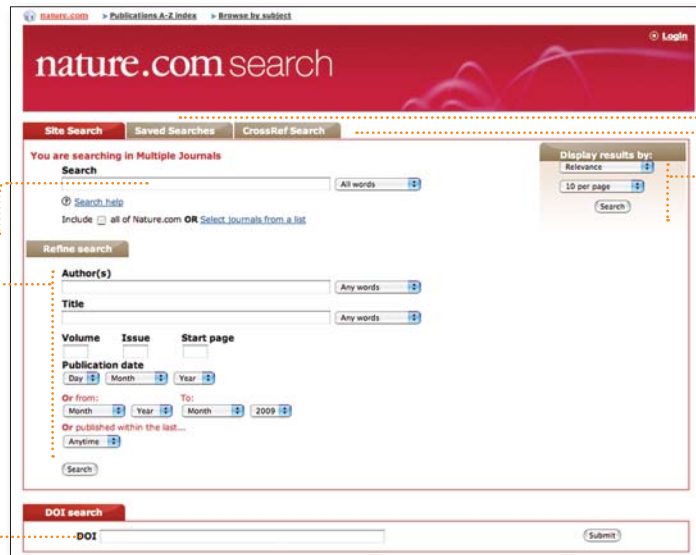
En este ejemplo se realizó la búsqueda de 'West Nile' en todas las publicaciones de NPG y sin especificar ningún intervalo de fechas.

Seleccione estos vínculos para limitar todavía más la búsqueda o iniciar una nueva.

Cambie la presentación de los resultados con listas desplegables.

Oculte el resumen (summary) y el contexto (context) del artículo.

Haga clic en los vínculos para leer el resumen, o bien vaya directamente al artículo completo o a su versión en formato PDF



Seleccione la ficha **Saved Searches (Búsquedas guardadas)** para ver los resultados de su propia lista de búsqueda guardadas. Esto se explica en la captura de pantalla siguiente.

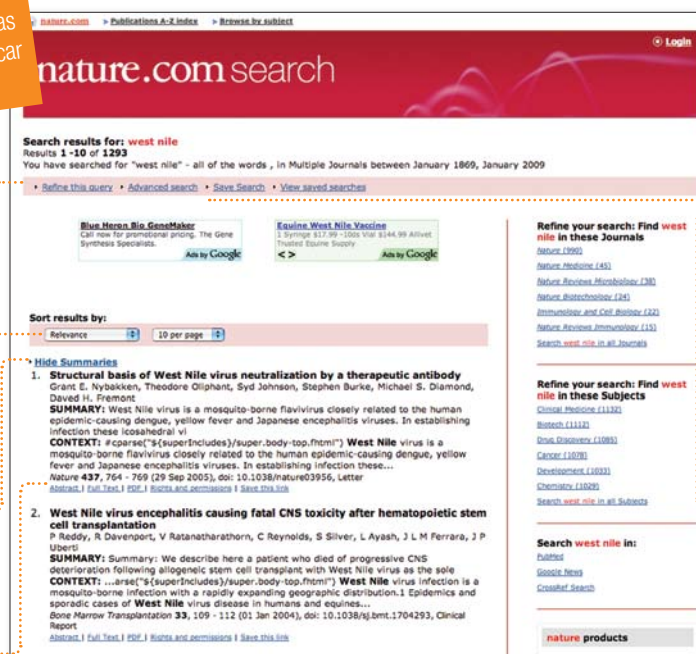
CrossRef Search (Búsqueda de referencias cruzadas) permite realizar una búsqueda de texto completo de contenidos de investigación académica entre editoriales.

Seleccione la manera de presentar los resultados

- por relevancia
- por fecha
- por publicación
- por tipo de artículo
- hasta 100 resultados por página

Si cree que va a realizar nuevas búsquedas utilizando los mismos términos, seleccione **Save Search (Guardar búsqueda)**, y los artículos más recientes serán automáticamente capturados. Podrá modificar los términos de búsqueda y ver los nuevos resultados en cualquier momento, o especificar que los resultados le sean enviados por correo electrónico a su dirección registrada.

Limite la búsqueda a publicaciones o áreas temáticas específicas.



Vaya más allá del artículo

podcasts: descargue presentaciones de audio gratuitas que destacan lo mejor de la semana científica de Nature y otras publicaciones.

vídeo: vea secuencias de vídeo que presentan debates y análisis con científicos cuando comparten sus descubrimientos.

Y además: gráficos interactivos, cuestionarios, galerías de vídeo, imágenes, viñetas cómicas y mucho más.

Para enterarse acerca de las funciones más recientes de nature.com visite periódicamente el sitio de las pruebas beta en www.nature.com/launchpad

blogs: haga conocer sus comentarios sobre las noticias del día o temas de discusión más amplios.

archivos de google earth: sepa cómo el novedoso uso de programas como Google Earth puede ayudar a los científicos a descubrir y compartir información.

